

# FIG.6A

Nucleotide Sequence Between SalI and NcoI

CCATGGATAT	10	GGG	20	GCTCGCC	30	CGTATGATGG	40	CGATGACACC	50	CCATTTCGCC	60	CATATCTGTA	70
CGATTTGACA	80	TGTGATATGA	90	TTTAACATGT	100	GACATGATTT	110	AACATTTGTTT	120	AATACTGTG	130	CCATCATTTAC	140
CATAATTTAG	150	TAACGCATTT	160	AGTAACGCAT	170	TTGTAAAAAT	180	CATTGCGCCC	190	CTTTATGTGT	200	ATCATATGAA	210
TAGAATATTA	220	TGATTGTATC	230	TGATTATTTGT	240	ATCAGAATGG	250	TGATGCTATA	260	TGATGATGCC	270	TACGAGTTGA	280
TTTGGGTTAA	290	TCACCTCTATG	300	ATTGATATA	310	TTTTGAAACT	320	AATCTATTGA	330	CTTAAATCAC	340	CATATGGTTA	350
TAATTTAGCA	360	TAATGGTAGG	370	CTTTTGTAA	380	AAATCACATC	390	GCAATATTGT	400	TCTACTGTTA	410	CTACCATGCT	420
TGAATGACGA	430	TCCCAATCAC	440	CAGATTTCATT	450	CAAGTGATGT	460	GTTTGTATAC	470	GCACCATTTA	480	CCCTAATTAT	490
TTCAATCAAA	500	TGCCCTATGTC	510	AGCATGTATC	520	ATTTTTTAA	530	GGTAAACCAC	540	CATGAATCAC	550	ATCTATAAAG	560
TCATCTTTAA	570	CAAAGCCACA	580	GGCACATTTTA	590	TGGCAGTGCC	600	AGAGTACGCC	610	AAATCCACACA	620	GCACGGGGGG	630

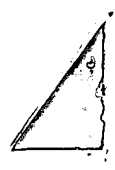


FIG. 6B

640	650	660	670	680	690	700
GGGTAGCTG	TCCTACAGG	CAAGTTGCA	GTGTATGCAC	TCTGAGCTTT	CCCCGTATTG	CCGCGCTCGC
710	720	730	740	750	760	770
TGTCCTCGTG	ATCGGTGCAA	CGCTCAGTGG	CAGTGCTTAT	GCTCAAAAAA	AAGATACCBA	ACATATCGCA
780	790	800	810	820	830	840
ATTGCTGAAC	AAAACCAACC	AAGACGCTCA	GGCACTGCCA	AGCGGACCG	TGATCGAGCC	ATTGCTATTG
850	860	870	880	890	900	910
GTGAAAATGC	TAACGCACAG	GGCGGTCAAG	CCATCGCCAT	CGGTAGTAGT	AATAAAACTG	TCAATGGAAG
920	930	940	950	960	970	980
CAGTTTGAT	AAGATAGGTA	CCGATGCTAC	GGGTCAAGAG	TCCATCGCCA	TCGGTGTGA	TGTAAGGCT
990	1000	1010	1020	1030	1040	1050
AGTGGTGATG	CCTCGATTGC	CATCGGTAGT	GATGACTTAC	ATTTGCTTGA	TCAGCATGGT	AATCCTA AAC
1060	1070	1080	1090	1100	1110	1120
ATCCGAAAGG	TACTCTGATT	AACGATCTTA	TTAACGGCCA	TGCAGTATTA	AAAGAAATAC	GAAGCTCAAA
1130	1140	1150	1160	1170	1180	1190
GGATAATGAT	GTAAAATATA	GACGCACAAC	CGCAAGCGGA	CACGCCAGTA	CTGCAGTGG	AGCCATGTCA
1200	1210	1220	1230	1240	1250	1260
TATGCACAGG	GTCATTTTTC	CAACGCCCTT	GGTACACGGG	CAACAGCTAA	AAGTGCCCTAT	TCCTTGGCAG

## FIG. 6C

1270	1280	1290	1300	1310	1320	1330
TGGGTCTTGC	CGCCACAGCC	GAGGCCAAT	CTACAATGCC	TATTGGTTCT	GATGCAACAT	CTAGCTCGTT
1340	1350	1360	1370	1380	1390	1400
GGGAGCGATA	GCCCTTGGTG	CAGGTACTCG	TGCTCAGCTA	CAGGCGAGTA	TTGCCCTAGG	TCAAGGTTCT
1410	1420	1430	1440	1450	1460	1470
GTTGTCACTC	AGAGTGATAA	TAAATTCTAGA	CCGGCCTATA	CACCAAAATAC	CCAGGCACTA	GACCCCAAGT
1480	1490	1500	1510	1520	1530	1540
TTCAAGCCAC	CAATAATACG	AAGCGGGTC	CACTTTCCAT	TGGTAGTAAC	TCTATCAAAC	GTAATAATCAT
1550	1560	1570	1580	1590	1600	1610
CAATGTCGGT	GCAGGTGTTA	ATAAAACCGA	TGCGGTCAAT	GTGGCACAGC	TAGAAGCGGT	GGTGAAGTGG
1620	1630	1640	1650	1660	1670	1680
GCTAAGGAGC	GTAGAATTAC	TTTTCAGGGT	GATGATAACA	GTA CTGACGT	AAAAATAGGT	TTGGATAATA
1690	1700	1710	1720	1730	1740	1750
CTTTAACTAT	TAAAGGTGGT	GCAGAGACCA	ACGCATTTAAC	CGATAATAAT	ATCGGTGTGG	TAAAAAGAGGC
1760	1770	1780	1790	1800	1810	1820
TGATAATAAGT	GGTCTGAAGA	TTAAACTTGC	TAAAACTTTTA	AACAACTCTTA	CTGAGGTGAA	TACAACTACA
1830	1840	1850	1860	1870	1880	1890
TTAAATGCCA	CAACCACAGT	TAAAGTAGGT	AGTAGTAGTA	GTA CTACAGC	TGAATTATTG	AGTGATAGTT